Notulen tutorles 22-09-2017 door: Rutger Kerlen

Start: 10:39

Voorzitter: Sander Geurts

Notulen gemaakt door Bram Löbker en Rutger Kerlen

Lokaal G2.15

1. Controle Aanwezigheid: Youri, Gerben, Ilse, Muhammed en Eline afwezig

2.Vaststellen agenda

1. Controle van de aanwezigheid

2. Vaststellen van de agenda

3. Mededelingen over weektaak 3

4. Notulen + actiepunten vorige vergadering

a. Het pythonscript

b. Het visualiseren met Pie-chart in excel

5. Presentaties weektaak 3

6. Sluiting van de nabespreking

3. Mededelingen over weektaak 3: Problemen met weektaak 3? Problemen met Git

4**.** Notulen + Actiepunten vorige vergadering**:** Geen vragen over notulen.

**Presentatie 1**: Valerie Verhalle presenteert.

Weektaak 3 makkelijker dan weektaak 2.

Pseudocode in een stappenplan. Makkelijker dan een groot stuk tekst.

Script helemaal uitgelegd met afbeelding.

Aantal problemen maar allemaal opgelost door na te vragen en te proberen.

Sander stelt vraag: Waarom wordt er twee keer ATCG geteld? Om te laten zien dat het DNA is doordat de lengte net zo lang is als de opgetelde ATCG.

**Presentatie 2**: Teun Jakobs presenteert.

Sequentie bepalen eiwit of mRNA.

Lengte tellen van sequentie

DERK in eiwit tellen

Nettolading berekenen.

Script wordt uitgelegd door sequentie te laten zien.

Maarten stelt vraag: Wat is er mis met de piechart? Hij kwam niet op honderd procent uit en DE% + RK% is niet gelijk aan het DERK%. En DE en RK staan apart van DERK percentage maar DE zit in DERK en RK zit ook in DERK.

Plaatjes van code in de presentatie ipv in Python.

**Presentatie 3**: Gerben Kolkman presenteert.

Script wordt uitgelegd door middel van afbeeldingen en stukken pseudocode.

Evander stelt vraag: Hoe kan het dat er gewoon “Het is DNA” blijft staan?: Dit is gedaan door een if en else te gebruiken.

**Presentatie 4:** Is van groepje van Youri. Deze presentatie is er niet.

**Nabespreking**:

Hoe kan je de gevonden resultaten verklaren? Het RNA is 1 derde van het eiwit.

Wat bleek moeilijker of makkelijker dan verwacht? Piecharts maken is moeilijker dan verwacht.

Git lukte nog steeds niet

Wat zou je de volgende keer anders doen? Iets beter de opdracht lezen zodat je de resultaten kan verwerken.

Wat meer overleggen

Hoe verliep de samenwerking? Stuk beter dan vorige keren.

Opzich wel goed alleen de 1 was sneller dan de ander.

Veel overlegt.

Alles gewoon gelukt.

13 punten verdelen over groepje? Punt extra voor Rutger

Punt extra voor Sander

Punten extra voor Valerie

Punt extra voor Youri

Sluiting nabespreking: 11:33

**Voorbespreking:**

Opening voorbespreking door Evander van Wolfswinkel om 11:37

Weektaak 4 voorlezen:

Na afloop van deze taak kun je:

* In python eenvoudige scripts schrijven om sequentiedata te analyseren
* De opzet van een script uitwerken in pseudocode
* Het script testen en de resultaten van het script verifieren met de waarden uit de literatuur
* Structuren van eiwitten opzoeken in de PDB database

2 opdrachten:

### 1: Wat is het molecuul gewicht van het eiwit?

### 2: Hoe ziet de structuur van het eiwit eruit?

### Molecuul gewichten opzoeken: mag op wikipedia.

### Sander stoot zijn ellenboog pijnlijk tegen de stoel.

### Resultaten:

Aan het eind van deze taak heb je

* een python script dat het molecuul gewicht van een eiwitsequentie kan uitrekenen.
* een opzet van het script in pseudocode.
* een vergelijking van de resultaten van het script met de waarden uit de literatuur.
* alle data overzichtelijk opgeslagen in Excel.
* het python script opgeslagen in GIT-classroom.
* de structuur van het eiwit met toelichting.

Rondvraag:

Teun: Mag pseudocode in het script zelf? Nee moet apart in bijvoorbeeld word bestand.

Sluiting voorbespreking: 11.53